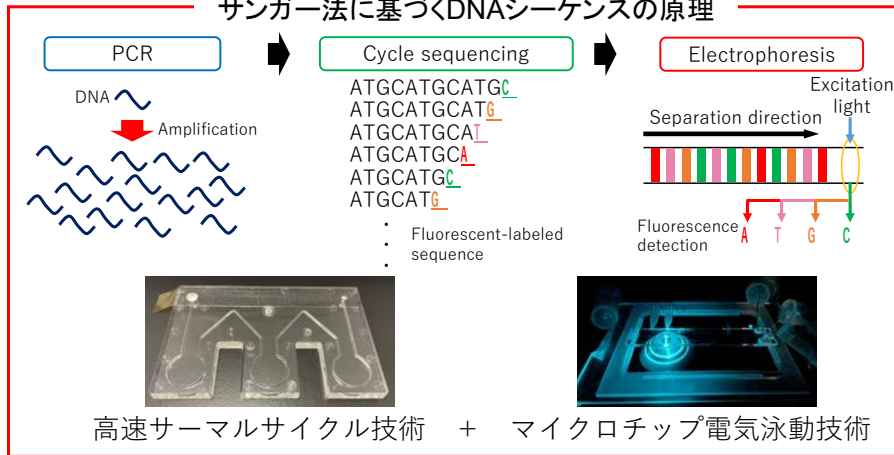


古谷 俊介（ふるたに しゅんすけ） バイオ分子計測研究グループ

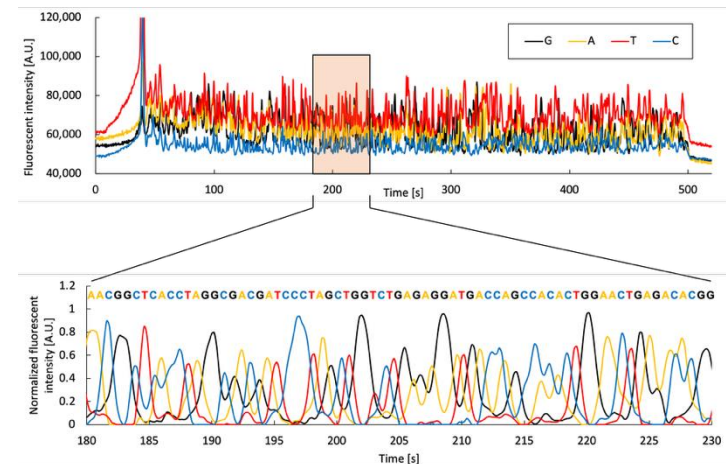
Point

- 正確性の高いサンガー法DNAシーケンスの高速化
- 16S rDNAの高速配列解析による迅速細菌同定
- SARS-CoV-2等の迅速な変異解析へも応用可能

サンガー法に基づくDNAシーケンスの原理



マイクロ流路技術による高速化



配列解析による細菌同定・変異解析

主な研究業績

- S. Furutani *et al.*, Sensors 2022, 22, 2130.
- 特願2022-201356